### **1 - RESPOSTA DISSERTATIVA**

A atividade faz parte da **anotação gênica**, que consiste na identificação de regiões codificantes (CDS), promotores, operadores e outras estruturas funcionais em uma sequência genômica. A próxima etapa após a identificação das ORFs é a **anotação funcional**, na qual se investiga qual é a possível função biológica dessas proteínas, por meio de homologia (BLAST), domínios conservados (Pfam, CDD), ou mapeamento funcional (GO, KEGG). Essa atividade contribui para a anotação estrutural ao delimitar onde estão as possíveis proteínas codificadas e os seus respectivos quadros de leitura.